doi: 10.7541/2013.146

与不同病原菌相结合的凡纳滨对虾血蓝蛋白溶血活性对比分析

张小瑜 林晓敏 章跃陵 路群山 邹文卉 伦镜盛 (汕头大学理学院生物学系,广东省海洋生物技术重点实验室,汕头 515063)

摘要:以凡纳滨对虾(*Litopenaeus vannamei*)为研究对象,采用亲和孵育、PAGE、SDS-PAGE、Western-blotting、 溶血活性测定等技术,探索与 6 种不同病原菌相结合的血蓝蛋白溶血活性的差异。结果发现,与副溶血弧 菌(*Vibrio parahaemolyticus*)、溶藻酸弧菌(*Vibrio alginolyticus*)、河弧菌(*Vibrio flurialis*)、大肠杆菌(*Escherichia coli* K12)、乙型链球菌(*Beta Streptococcus*)和金黄色葡萄球菌(*Staphylococcus aureus*) 6 种不同细菌相结合的 血蓝蛋白(分别命名为 HMC-VP、HMC-VA、HMC-VF、HMC-EC、HMC-BS、HMC-SA)对鸡红细胞表现出 不同的溶血活性,其中 HMC-VP、HMC-SA 溶血活性最高(100.00%),HMC-VA 溶血活性最低(39.68%)。在此 基础之上,进一步采用糖基氧化和胰蛋白酶消化等策略探索引起该 6 种血蓝蛋白溶血活性差异的分子基础。 结果表明,该 6 种血蓝蛋白经糖基氧化后,溶血活性大幅度下降抑或丧失,而经胰蛋白酶水解后,溶血活性 大幅度升高抑或达到 100.00%。由此说明,与不同病原菌相结合的血蓝蛋白免疫学功能(溶血活性)存在显著 性差异,造成该差异的原因可能与血蓝蛋白的糖基化修饰、蛋白构象的多样性有关。

关键词:对虾;血蓝蛋白;溶血活性;多样性 中图分类号:S945.4 文献标识码:A 文章编号:1000-3207(2013)06-1079-06

血蓝蛋白是位于节肢动物和软体动物血淋巴中 的含铜呼吸蛋白,一般认为,血蓝蛋白的主要生物 学功能与机体内氧的输送有关,但近年来研究表明, 血蓝蛋白是一种多功能蛋白,其不仅具有输氧功能, 而且还具有酚氧化酶^[1-3]、抗病毒^[4-6]、抗细菌^[7,8]、 抗肿瘤^[9,10]、凝集^[11-13]和溶血^[14,15]等多种非特异性 免疫学活性。

本实验室前期采用亲和蛋白质组学技术路线 发现对虾血清中直接与病原菌相结合的主要蛋白 为血蓝蛋白^[16]。本课题组乔杰等^[17]进一步研究证 实,这些与不同病原菌相结合的血蓝蛋白在凝集、 抑菌活性方面存在较大差异。然而,这些与不同细 菌直接相结合的血蓝蛋白在溶血活性上是否同样 也存在差异,还有待于进一步研究。为此,积极探 索其溶血活性的差异以及导致该差异形成的分子 基础,对阐明血蓝蛋白功能多样性的分子机制等 具有重要意义。

- 1 材料与方法
- 1.1 实验材料

凡纳滨对虾由汕头市华勋水产有限公司提供, 新鲜鸡血购自汕头市鮀浦农贸市场。实验用副溶血 弧菌(Vibrio parahaemolyticus)、溶藻酸弧菌(Vibrio alginolyticus)、河弧菌(Vibrio fluvialis)、大肠杆菌 K12(Escherichia coli K12)、乙型链球菌(Beta Streptococcus)和金黄色葡萄球菌(Staphylococcus aureus) 为本实验室保存菌种。

1.2 主要试剂

兔抗凡纳滨对虾血蓝蛋白抗血清由本实验室 免疫制备,Dot-ELISA 实验表明,其效价大约为

收稿日期: 2012-08-30; 修订日期: 2013-06-01

基金项目: 国家自然科学基金(Nos.30871939 & 31072237); 教育部新世纪优秀人才支持计划项目(No.NCET-11-0922); 广东省自 然科学基金(Nos.10251503101000002 & 9151064001000001); 广东省科技计划项目(No. 2009B020309006); 广东省高 等学校高层次人才项目(2011)资助

作者简介:张小瑜(1987-),女,陕西咸阳人;硕士;主要从事无脊椎动物分子免疫研究。E-mail:10xyzhang3@stu.edu.cn

通信作者: 章跃陵, Tel: 0754-82902580; E-mail: zhangyl@stu.edu.cn

1:1000, 辣根过氧化物酶标记羊抗兔 IgG (Goat anti-Rabbit IgG-HRP)购自武汉博士德生物工程有限 公司, PVDF 膜为 MILLIPORE 公司产品, 葡聚糖凝 胶 Sephadex G-100 为 Pharmacia 公司产品, β-巯基乙 醇(β-mercaptoethanol)、丙烯酰胺(Acryl-amide)、双 丙烯酰胺(Bis-acrylamide)、三羟甲基氨基甲烷 (Tris)、十二烷基磺酸钠(SDS)、考马斯亮蓝 G-250 (Coomassie brilliant blue G-250)、二氨基联苯胺 (3'3-diaminobenzidine, DAB)、丽春红 S(Ponceau S) 等试剂购于上海 Sangon 生物工程有限公司, 无水乙 醇、甲醇、冰乙酸、浓硫酸等试剂购于汕头西陇化 工有限公司。

1.3 实验方法

虾血清的制备 参照章跃陵等^[13]方法进行, 用1 mL注射器直接从对虾心脏抽取血淋巴,4℃冰 箱过夜,12000 r/min 离心 20min,取血清,-20℃保存 备用。

Sephadex G-100 柱层析纯化血蓝蛋白 参 照 Sellos, *et al.*^[18]方法纯化对虾血蓝蛋白。其大致流 程如下:选用 Sephadex G-100 按常规方法装柱,加 入对虾血清 1.5 mL, 50 mmol/L Tris-HCl (pH 8.0)洗 脱,流速 1 mL/min,自动部分收集器收集血蓝蛋白 洗脱峰(命名为 HMC-SD), Bradford 法测定蛋白浓度, -20℃保存备用。

病原菌悬液的制备 取副溶血弧菌、溶藻酸 弧菌、河弧菌、大肠杆菌、乙型链球菌和金黄色葡 萄球菌 6 种病原菌,分别用肉汤培养基/LB 培养基 于 28—37℃培养 24h,收集菌液,室温 12000 r/min 离心 2min, 0.9%生理盐水洗涤 3 次,高温灭活, Tris-HCl (pH 8.0)室温浸泡 3h, 5000 r/min 离心 10min, 0.9% 生理盐水洗涤 3 次,用培养基 1/5 体积的 0.9% 生理盐水重悬,4℃保存备用。

与不同病原菌结合的血蓝蛋白的分离纯化 参照章跃陵等^[16]报道的方法,将副溶血弧菌等 6 种 病原菌悬液分别与等体积虾血清室温孵育 2h, 5000 r/min离心 10min,取沉淀,0.9%生理盐水洗涤 3 次,5000 r/min离心 10min,0.8 mol/L NaCl、1 mol/L Tris-HCl (pH 8.0)室温重悬 2h,12000 r/min 离心 10min,取上清,冷丙酮沉淀,0.01 mol/L PBS 重悬, Bradford 法测定蛋白浓度,-20℃保存备用。与副溶 血弧菌、溶藻酸弧菌、河弧菌、大肠杆菌、乙型链 球菌和金黄色葡萄球菌 6 种病原菌相结合的血蓝蛋 白分别命名为: HMC-VP、HMC-VA、HMC-VF、 HMC-EC、HMC-BS、HMC-SA。

PAGE、SDS-PAGE 和 Western-blotting 分析 取 Sephadex G-100 纯化血蓝蛋白以及与不同病原菌 相结合的 6 种血蓝蛋白样品适量,按常规方法进行 PAGE 和 SDS-PAGE 分析,其中浓缩胶、分离胶浓 度分别为 5%和 10%。

SDS-PAGE 电泳结束后用半干式电转仪根据凝 胶面积按0.8 mA/cm²电转100min, 5%脱脂奶粉(0.02 mol/L TBS, 0.5 mol/L NaCl, pH 7.4)室温封闭 1h, 兔 抗血蓝蛋白抗血清(1:1000)和羊抗兔 IgG-HRP (1:3000)分别室温孵育 2h 和 1h, TTBS 充分洗涤, DAB 显色拍照。

溶血实验与溶血动态观察 溶血实验:参照 Hatakeyama, *et al.*^[19]报道的方法进行。选用 3.8%柠 檬酸钠为抗凝剂收集新鲜鸡血,抗凝血经 2000 r/min 离心 10min,去血浆,取血细胞,0.01 mol/L PBS (pH 7.4)洗涤,500 r/min 离心 5min,重复三次。最后用 0.01 mol/L PBS-Ca²⁺ (pH 6.0)配成 0.5% (v/v)红细胞 悬液。分别取 0.9 mL 红细胞悬液与 0.3 mL 待测血 蓝蛋白(0.2 mg/mL)混匀,37°C 孵育 1h,3500 r/min 离心 10min,取上清,540 nm测定吸光度,记为 A。 阴性对照以 PBS-Ca²⁺替代血蓝蛋白(A_0),阳性对照 以 0.1% Triton X-100 替代血蓝蛋白(A_{100})。溶血率 = $(A_{--A_0})/(A_{100}--A_0)\times100%$ 。

溶血动态观察: 取10 µL 0.5% 鸡红细胞悬液与 等量待测血蓝蛋白混匀滴加在洁净的载玻片上, 37℃培养箱静置 20、40、60min 后分别用 Olympus BH-2 型显微镜观察并拍照。

血蓝蛋白糖基氧化前后溶血活性比较分析 血蓝蛋白糖基氧化参照 Pagano, et al. ^[20]报道的方法 进行。待氧化血蓝蛋白样品分别与 15 mmol/L KIO₄ (0.2 mol/L 醋酸-醋酸钠, pH 4.5)避光、室温孵育 1h, 0.01 mol/L PBS (pH 7.4) 透析过夜。糖基氧化后采用 上述策略比较分析血蓝蛋白糖基氧化前后溶血活性 的差异。

血蓝蛋白胰蛋白酶消化前后溶血活性比较分析 胰蛋白酶消化参照 Perdomo-Morales, *et al.*^[21]报道 的方法,并适当改进进行。将血蓝蛋白(0.4 mg/mL) 与 0.1 mg/mL 胰蛋白酶等体积混合,37℃孵育 1h。 经胰蛋白酶水解后按照上述策略比较分析血蓝蛋白 胰蛋白酶消化前后溶血活性的差异。

2 结果

2.1 与不同病原菌相结合的血蓝蛋白的分离纯化 与鉴定

如图 1 所示, HMC-SD 及 HMC-VP、HMC-VA、 HMC-VF、HMC-EC、HMC-BS、HMC-SA PAGE 电 泳均表现为单一条带, SDS-PAGE 图谱呈现为 75、 77 kD 两条带, 且均可以与抗血蓝蛋白抗体发生特 异性结合。这说明所分离的成分均为血蓝蛋白。

2.2 六种血蓝蛋白溶血活性对比分析

选取鸡血红细胞探索与不同病原菌相结合的6种 血蓝蛋白溶血活性的差异。结果发现,6种血蓝蛋白对 鸡红细胞溶血活性存在明显的差异,其中 HMC-VP、 HMC-SA 溶血活性最高,溶血率为100.00%,HMC-VA 溶血活性最低,溶血率为39.68%,前者约为后者的 2.5 倍,与对照组 HMC-SD 相比,HMC-VP、HMC-SA





^{*}表示与 HMC-SD 溶血活性相比具有显著差异(P<0.05)

* Showing significant difference from hemolytic activities of HMC-SD

为了进一步在细胞水平对比分析与不同病原菌 相结合的血蓝蛋白溶血活性的差异,我们选取 HMC-VP、HMC-VF、HMC-VA 三种溶血率差异较 大的血蓝蛋白,在20、40、60min 三个时间点对其溶 血活性进行动态比较分析。结果如图 3 所示,与鸡红 细胞 37℃孵育 60min后,HMC-VP 孵育组细胞破裂严 重,未见完整红细胞,HMC-VF 孵育组大部分细胞破 裂,HMC-VA 孵育组仅有少量红细胞破裂,所获研究 结果与溶血率测定结果一致,说明与不同病原菌相 结合的血蓝蛋白在溶血活性上确实存在明显差异。

2.3 糖基氧化、胰蛋白酶消化前后血蓝蛋白溶血活 性比较分析

如表 1 所示,与不同病原菌结合的 6 种血蓝蛋

存在显著性差异(图 2)。



图 1 与 6 种不同病原菌相结合的血蓝蛋白 PAGE(A)、 SDS-PAGE(B)和 Western-blotting(C)分析

Fig. 1 PAGE, SDS-PAGE and Western-blotting analysis of six *L*. *vannamei* hemocyanin isomers bound directly to different bacteria, respectively

1—7 分别为 HMC-SD、HMC-VP、HMC-VA、HMC-VF、HMC-EC、 HMC-BS、HMC-SA

> 白糖基氧化后,其溶血活性显著 性降低,除 HMC-EC 外,其他 5 种血蓝蛋白溶血活性几乎全部 丧失,与氧化前相比,6 种血蓝 蛋白氧化后溶血活性存在极显 著性或显著性差异。

> 如图 4 所示,与不同病原菌结 合的 6 种血蓝蛋白经胰蛋白酶水解 后,溶血活性均明显提高,除 HMC-VA 溶血率为 94%外,其他 5 种血蓝蛋白溶血活性均为 100%, 与酶解之前相比,HMC-VA、 HMC-VF、HMC-EC、HMC-BS 等

4 种血蓝蛋白溶血活性存在极显著性或显著性差异。

表 1 糖基氧化前后不同血蓝蛋白溶血活性比较分析 Tab. 1 Comparison of hemolytic activities between hemocyanin isomers with and without carbohydrate epitopes

血蓝蛋白 - Hemocyanin isomer	溶血率 Hemolytic activity (%)	
	糖基氧化前 Before oxidation	糖基氧化后 After oxidation
HMC-VP	100.00 ± 0.00	2.70±2.85**
HMC-SA	100.00 ± 0.00	$0.00{\pm}0.00^{**}$
HMC-BS	70.67±17.72	$0.00{\pm}0.00^{**}$
HMC-EC	67.16±10.30	46.35±5.85*
HMC-VF	56.59±14.68	$0.00{\pm}0.00^{**}$
HMC-VA	39.68±5.67	$0.00{\pm}0.00^{**}$
HMC-SD	74.32±16.92	$0.00{\pm}0.00^{**}$

60 min

图 3 HMC-VP、HMC-VF 和 HMC-VA 3 种血蓝蛋白对鸡红细胞溶血活性动态比较分析 Dynamic comparison of hemolytic activities of HMC-VP, HMC-VF and HMC-VA against chicken erythrocyte in the cellular level Fig. 3



Fig. 4 Comparison of hemolytic activities between hemocyanin isomers between trypsin-treatment and -untreatment

*表示与溶血活性胰蛋白酶处理前相比具有显著差异(P<0.05), **表示具有极显著差异 (P<0.01)

* Showing significant difference from trypsin-treatment of hemolytic activities; ** Showing highly significant difference

3 讨论

一般认为, 无脊椎动物免疫分子由于胚系基因 种类有限而不具备分子多态性。但近年来研究结果表 明,众多无脊椎动物非特异性免疫分子同样具有分 子多态性^[22-24]。如 Zhang, et al. ^[22]报道淡水蜗牛 Biomphalaria glabrata纤维蛋白原相关蛋白 FREP3 至

凝集、抑菌活性等均存在明显差 异^[17]。结合前期报道,对虾血蓝蛋白对鸡红细胞同 样具有溶血活性^[15]。提示,这些与不同病原菌相结 合的血蓝蛋白在溶血活性方面也可能存在差异、故 进一步对其进行探索具有重要意义。

少具有 314 条不同的基因序列;

Schmucker, et al. ^[23]发现果蝇

Drosophila 由于选择性剪切使其 唐氏综合症细胞黏附分子(Down

syndrome cell adhesion molecule,

DSCAM)具有 38000 种潜在的亚

型。有意思的是,最近本室发现存

在于对虾中的血蓝蛋白具有单核 苷酸多态性^[24],尤其是乔杰等发

现与不同病原菌相结合的血蓝蛋

白 2-DE 泳图谱存在明显差异, 即

出现不同的血蓝蛋白多态性分子

的组合,且这些不同的血蓝蛋白

多态性分子组合对同一病原菌的

为此,本研究选用3种革兰氏阴性菌(副溶血弧 菌、溶藻酸弧菌、河弧菌均为对虾常见致病菌)、1 种重要模式菌(大肠杆菌 K12)以及 2 种革兰氏阳性



菌(水产致病菌乙型链球菌、人兽共患致病菌金黄色 葡萄球菌)6 种病原菌作为配体将对虾血蓝蛋白分离 成不同成分,并对其溶血活性进行对比分析,结果 发现该 6 种血蓝蛋白对鸡红细胞溶血率存在明显差 异。与本室既往研究发现的与不同病原菌相结合的 血蓝蛋白凝集、抑菌等免疫学功能存在明显差异的 结果一致^[17]。由此推测,这些与不同病原菌相结合 的特定血蓝蛋白多态性分子组合可能是对虾血蓝蛋 白发挥功能多样性的分子基础之一。

为了进一步探索这些与不同病原菌相结合的血 蓝蛋白存在结构上的哪些差异,我们继而选用高碘 酸盐、胰蛋白酶分别氧化、降解该6种血蓝蛋白、并 比较处理前后溶血活性的差异。结果发现高碘酸盐 氧化血蓝蛋白糖基后,除 HMC-EC 的溶血率没有显 著降低外, 其余 5 种血蓝蛋白的溶血活性几乎完全 丧失。与课题组以往研究发现糖含量不同的血蓝蛋 白免疫学功能存在明显差异的结果一致^[25]。与之相 反, 胰蛋白酶处理后, 该 6 种血蓝蛋白的溶血活性 均有显著性提高, 其与 Decker, et al. [26]、Perdomo-Morales, et al.^[3,21]发现狼蛛 Eurypelma californicum, 龙虾 Panulirus argus 血蓝蛋白被胰蛋白酶或胰凝乳 蛋白酶水解后酚氧化酶活性显著提高的结果相似。 由此推测、这些血蓝蛋白溶血活性的发挥可能既与 其糖基化修饰程度不同有关, 又与其空间构象存在 差异有关。至于其确实情况还有待于进一步研究和 探索。

参考文献:

- Coates C J, Kelly S M, Nairn J. Possible role of phosphatidylserine-hemocyanin interaction in the innate immune response of *Limulus polyphemus* [J]. *Developmental & Comparative Immunology*, 2011, 35: 155–163
- [2] Guo D, Zhang Y, Zeng D, et al. Functional properties of hemocyanin from Oncomelania hupensis, the intermediate host of Schistosoma japonicum [J]. Experimental Parasitology, 2009, 123: 277–281
- [3] Perdomo-Morales R, Montero-Alejo V, Perera E, et al. Hemocynin-derived phenoloxidase activity in the spiny lobster Panulirus argus (Latreille, 1804) [J]. Biochimeca et Biophysica Acta, 2008, 1780: 652–658
- [4] Nesterova N V, Zagorodnya S D, Moshtanska V, et al. Antiviral activity of hemocyanin isolated from marine snail Rapana Venosa [J]. Antiviral Research, 2011, 90(2): A38
- [5] Zagorodnya S D, Dolashka P, Baranova G V, et al. Anti-EBV activity of hemocyanin isolated from *Helix lucorum* [J]. An-

tiviral Research, 2011, 90(2): A66

- [6] Dolashka P, Velkova L, Shishkov S, et al. Glycan structures and antiviral effect of the structural subunit RvH2 of Rapana hemocyanin [J]. Carbohydrate Research, 2010, 345: 2361–2367
- [7] Jiang N, Tan N S, Ho B, *et al.* Respiratory protein-generated reactive oxygen species as an antimicrobial strategy [J]. *Nature Immunology*, 2007, 8(10): 1114—1122
- [8] Destoumieux D, Saulnier D, Garnier J, et al. Crustacean immunity. Antifungal peptides are generated from the C terminus of shrimp hemocyanin in response to microbial challenge [J]. Journal of Biological Chemistry, 2001, 276(50): 47070–47077
- [9] Dolashka P, Velkova L, Iliev I, et al. Antitumor activity of glycosylated molluscan hemocyanins via Guerin ascites tumor [J]. Immunological Investigations, 2011, 40(2): 130–149
- [10] Becker M I, Fuentes A, Campo M D, et al. Immunodominant role of CCHA subunit of *Concholepas* hemocyanin is associated with unique biochemical properties [J]. *International Immunopharmacology*, 2009, 9: 330–339
- [11] Yan F, Zhang Y L, Jiang R P, et al. Identification and agglutination properties of hemocyanin from the mud crab (*Scylla* serrata) [J]. Fish & Shellfish Immunology, 2011, 30: 354—360
- [12] Zhang Y L, Wang S Y, Xu A L, et al. Affinity proteomic approach for identification of an IgA-like protein in *Litopenaeus vannamei* and study on its agglutination characterization [J]. Journal of Proteome Research, 2006, 5: 815–821
- [13] Zhang Y L, Lin B K, Chen J, et al. Bacterial agglutinative activity of hemocyanin in shrimp Litopenaeus vannamei [J]. Journal of Fishery Sciences of China, 2006, 13(6): 1006—1011 [章跃陵,林伯坤,陈俊,等. 凡纳滨对虾血蓝蛋白的细菌凝集活性.中国水产科学, 2006, 13(6): 1006—1011]
- [14] Yan F, Qiao J, Zhang Y L, et al. Hemolytic properties of hemocyanin from mud crab Scylla serrate [J]. Journal of Shellfish Research, 2011, 30(3): 957–962
- [15] Zhang Y L, Yan F, Hu Z, et al. Hemocyanin from shrimp Litopenaeus vannamei shows hemolytic activity [J]. Fish & Shellfish Immunology, 2009, 27: 330–335
- [16] Zhang Y L, Lin Z J, Li Z J, et al. Identification of the main proteins binding with pathogen directly in *Litopenaeus vannamei* serum [J]. Journal of Fisheries Sciences of China, 2008, 32(1): 105—110 [章跃陵,林智健,李祖江,等. 凡纳滨对虾血清中直接与病原菌相结合的主要蛋白的鉴定.水产学报, 2008, 32(1): 105—110]
- [17] Qiao, J. Investigation of protein polymorphism of hemocyanin from *Litopenaeus vennamei* and its immunological functions [D]. Thesis for Master of Shantou University. 2011 [乔 杰. 凡纳滨对虾血蓝蛋白蛋白质水平多态性及其免疫学 意义的研究. 汕头大学硕士学位论, 2011]

- [18] Sellos D, Lemoine S, Wormhoudt A V. Molecular cloning of hemocyanin cDNA from *Penaeus vannamie* (Crustacea, Decapoda): structure, evolution and physiological aspects [J]. *FEBS Letters*, 1997, **407**: 153–158
- [19] Hatakeyama T, Nagatomo H, Yamasaki N. Interaction of the hemolytic lectin CEL-III from the marine invertebrate *Cucumaria echinata* with the erythrocyte membrane [J]. *Journal of Biological Chemistry*, 1995, **270**: 3560–3564
- [20] Pagano M R, Mendieta J R, Mu oz F F, et al. Roles of glycosylation on the antifungal activity and apoplast accumulation of StAPs (Solanum tuberosumaspartic proteases) [J]. International Journal of Biological Macromolecules, 2007, 41(5): 512–520
- [21] Perdomo-Morales R, Montero-Alejo V, Perera E, et al. Phenoloxidase activity in the hemolymph of the spiny lobster Panulirus argus [J]. Fish & Shellfish Immunology, 2007, 23: 1187—1195
- [22] Zhang S M, Adema C M, Kepler T B, et al. Diversification

of Ig superfamily genes in aninvertebrate [J]. *Science*, 2004, **305**(5681): 251-254

- [23] Schmucker D, Clemens J C, Shu H, et al. Drosophila Dscam is an axon guidance receptor exhibiting extraordinary molecular diversity [J]. Cell, 2000, 101(6): 671–684
- [24] Zhao X L, Guo L L, Zhang Y L, et al. SNPs of hemocyanin C-terminal fragment in shrimp *Litopenaeus vannamei* [J]. *FEBS Letters*, 2012, 586(4): 403–410
- [25] Zhang Y L, Xing L G, Yan F, et al. Comparative analyses of five hemocyanin isomers from shrimp Litopenaeus vannamei [J]. Chinese Journal of Biochemistry and Molecular Biology, 2009, 25(7): 655—661 [章跃陵, 邢立 刚, 严芳, 等. 5 种凡纳滨对虾血蓝蛋白的糖基化修饰 及功能对比分析. 中国生物化学与分子生物学报, 2009, 25(7): 655—661]
- [26] Decker H, Rimke T. Tarantula hemocyanin shows phenoloxidase activity [J]. *Journal of Biological Chemistry*, 1998, 273(40): 25889–25892

COMPARATIVE ANALYSIS OF HEMOLYTIC ACTIVITY OF HEMOCYANIN ISOMERS BINDING TO DIFFERENT BACTERIA IN SHRIMP *LITOPENAEUS VANNAME*

ZHANG Xiao-Yu, LIN Xiao-Min, ZHANG Yue-Ling, LU Qun-Shan, ZOU Wen-Hui and LUN Jing-Sheng (Department of Biology and Guangdong Provincial Key Laboratory of Marine Biotechnology, College of Science, Shantou University, Shantou 515063, China)

Abstract: In this study, we investigated the diversities of six *Litopenaeus vannamei* hemocyanin isomers binding to different bacteria. The methods of affinity-binding, PAGE, SDS-PAGE, Western-blotting and hemolytic activity assays were used. The results indicated that all the six hemocyanin isomers, namely hemocyanin isomer directly binding to *Vibrio parahaemolyticus* (HMC-VP), *Vibrio alginolyticus* (HMC-VA), *Vibrio fluvialis* (HMC-VF), *Escherichia coli* K12 (HMC-EC), *Beta Streptococcus* (HMC-BS) and *Staphylococcus aureus* (HMC-SA) displayed different hemolytic activities to chicken erythrocyte. Among of these, HMC-VP and HMC-SA showed the highest hemolytic activity and reached almost complete (100.00%), while that of HMC-VA was only 39.96%. To further elucidate the molecular basis underlying hemocyanin isomers functional diversities, the assays of glycosyl-oxidation and trypsin digestion were selected. The results showed that glycosyl-oxidation led to a generally significant decrease in hemolytic activity of all of the hemocyanin isomers, even completely abolished. In contrast, the hemolytic activities of these hemocyanin isomers were highly increased, even reached 100.00% after trypsin digestion. Thus, these results revealed that six hemocyanin isomers possessed different hemolytic activities, which may be related to the diversity of protein glycosylation and conformation.

Key words: Shrimp; Hemocyanin; Hemolytic activity; Diversity